

АНАЛИЗ СВЯЗИ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНОВ *GSTT1*, *GSTM1*, *CYP2C19W* *CYP2E1* С АТОПИЕЙ У ЖИТЕЛЕЙ г. ТОМСКА

Фрейдин М.Б.*, Брагина Е.Ю.*, Петровский Ф.И.**,
Петровская Ю.А.***, Кобякова О.С.***, Огородова Л.М.*
Пузырев В.П.****

* НИИ медицинской генетики Томского Научного Центра Сибирского Отделения
Российской Академии Медицинских Наук.

** Кафедра факультетской педиатрии курсом детских болезней Сибирского
государственного медицинского университета.

*** Кафедра медицинской генетики Сибирского государственного медицинского университета.

Резюме. У 130 жителей Томска изучена ассоциация атопических признаков (уровень общего сывороточного IgE, специфическая сенсibilизация к бытовым, эпидермальным и растительным аллергенам, наличие атопических заболеваний в анамнезе) с полиморфными вариантами генов биотрансформации: *GSTT1*, *GSTM1*, *CYP2C19*, *CYP2E1*. Распределение генотипов и частоты аллелей изученных генов в выборке из Томска в целом не соответствовали таковым в других европеоидных популяциях. Не установлено статистически значимой связи исследованных молекулярно-генетических вариантов с уровнем общего сывороточного IgE, выраженным в виде количественной или качественной переменной, а также с наличием специфической сенсibilизации по данным кожных аллергопроб и атопическими заболеваниями в анамнезе. Показана тенденция к ассоциации W/M полиморфизма гена *CYP2C19* со специфической сенсibilизацией ($p < 0,100$). В целом, полученные данные свидетельствуют об отсутствии выраженного влияния изученных генов на проявления атопии.

Ключевые слова: атопия, глутатион S-трансферазы, цитохром P-450, гены ферментов биотрансформации, полиморфизм.

Freidin M.B., Bragina E. Yu., Petrovskiy F.I., Petrovskaya Yu.A., Kobyakova O.S., Ogorodova L.M., Puzyrev V.P.

ASSOCIATION OF THE *GSTT1*, *GSTM1*, *CYP2C19* AND *CYP2E1*

GENES POLYMORPHISM WITH ATOPY

Abstract. In 130 inhabitants of Tomsk the association of atopic signs (common serum IgE levels, specific sensitization to household, epidermal and plant allergens, atopic diseases in anamnesis) with polymorphic variants of biotransformation genes *GSTT1*, *GSTM1*, *CYP2C19*, *CYP2E1* was investigated. On the whole, the distribution of genotypes and the allelic frequencies of the genes in the sample did not correspond to those in other Caucasoid populations. We have not established the significant association of the studied genetic variants with common serum IgE levels expressed as quantitative or qualitative variable, as well as with the presence of specific sensitization by skin-prick tests and with atopic diseases in anamnesis. There was a trend to association between the W/M polymorphism of the *CYP2C19* gene with specific sensitization to household, epidermal, and plant allergens ($p < 0.100$). On the whole, the obtained data testify to absence of the essential influence of the investigated genes on atopy expression. (*Med. Immunol.*, 2003, vol.5, N1-2, pp 107-112)