

ВЛИЯНИЕ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНА CD14 НА ТЕЧЕНИЕ И ИСХОД НОЗОКОМИАЛЬНОЙ ПНЕВМОНИИ

Байгозина Е.А.¹, Совалкин В.И.²

¹Областная клиническая больница, г. Омск

²Омская государственная медицинская академия, г. Омск

Резюме. Частоты генотипов полиморфизма -260(C→T) гена CD14 в контрольной группе и группе больных с нозокомиальной пневмонией (НП) находятся в равновесии Харди–Вайнберга. При сравнении частот генотипов полиморфизма гена CD14 между контрольной группой и больными было выявлено статистически значимое повышение частоты генотипа T/T у больных с НП (33,33%) по сравнению с контрольной группой (18,09%) ($p = 0,008$). Обращают на себя внимание различия в тяжести течения НП у пациентов с генотипами C/C, C/T и T/T: в первом случае оценка тяжести пневмонии по шкале CPIS составила $7,81 \pm 1,32$ балла, во втором – $8,93 \pm 1,48$ балла ($p < 0,05$). В нашем исследовании прослеживается позитивная корреляция между временем разрешения НП с генотипом гена CD14: наличие генотипа T/T ассоциировалось с затяжным, осложненным течением пневмонии и необходимостью пролонгированной респираторной поддержки в случае НП, связанной с искусственной вентиляцией легких (НПивл), по сравнению с течением пневмонии у больных с генотипами C/C и C/T ($r = 0,70$; $p = 0,01$). Выявлено, что у пациентов с генотипом T/T гена регуляторной молекулы CD14 имела место гиперцитокинемия за счет цитокинов TNF α , IL-1 β и IL-1RN, что подчеркивает ключевую роль полиморфизма гена CD14 в иммунопатогенезе НП.

Ключевые слова: полиморфизм, ген, CD14, нозокомиальная пневмония.

Baygozina E.A., Sovalkin V.I.

INFLUENCE OF CD14 GENE POLYMORPHISM ON CLINICAL COURSE AND OUTCOME OF NOSOCOMIAL PNEUMONIA

Abstract. Genotypes CD14 gene genotypes frequencies of in control group and in group of patients with nosocomial pneumonia (NP) correspond to Hardy-Weinberg law. We revealed a statistically significant increase of genotype T/T frequency in the patients with NP (33.33%) in contrast to control group (18.09%) ($p = 0.008$). Notable is a difference in severity of NP course in the patients with C/C, C/T and T/T genotypes. In first case, the score of disease severity, using CPIS scale, was 7.81 ± 1.32 , whereas in second case it was 8.93 ± 1.48 ($p < 0.05$). A positive correlation was found between resolution time of NP and CD14 genotype, i.e. T/T genotype was associated with prolonged respiratory support in NP with mechanical ventilation, as compared with NP cases in the patients with C/C and C/T genotypes ($r = 0.70$; $p = 0.01$). It was shown that the patients with CD14 T/T genotype exhibited hypercytokinemia due to TNF α , IL-1 β and IL-1RN, thus pointing to a key role of CD14 gene polymorphism in immune pathogenesis of NP. (*Med. Immunol.*, vol. 12, N 1-2, pp 95-102)

Keywords: polymorphism, gene, CD14, nosocomial pneumonia.

Адрес для переписки:

644123, г. Омск, ул. Крупской, 25, корп. 1.

Тел.: (3812) 70-01-35.

E-mail: pulmonology55@mail.ru